

GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND		
ACVR1	2q24.1	CHD1	5q21.1	DSCR8	21q22.13	FMR2	Xq28	GATA3	10p14	HOXA cluster	7p15.2
ACVR1B	12q13.13	CHD1L	1q21.1	DSCR9	21q22.13	FOXA1	14q21.1	GATA4	8p23.1	HOXB cluster	17q21.32
ACVR1C	2q24.1	CHD2	15q26.1	DSCR10	21q22.13	FOXA2	20p11.21	GATA5	20q13.33	HOXC cluster	12q13.13
ACVR2A	2q23.1	CHD3	17p13.1	DYRK1A	21q22.13	FOXA3	19q13.32	GATA6	18q11.2	HOXD cluster	2q31.1
ACVR2B	3p22.2	CHD4	12p13.31	DYRK1B	19q13.2	FOXB1	15q22.2	GDF1	19p13.11	IGF1	12q23.2
ACVRL1	12q13.13	CHD5	1p36.31	EHMT1	9q34.3	FOXB2	9q21.13	GDF2	10q11.22	IGF1R	15q26.3
ADAM17	2p25.1	CHD6	20q12	ELN	7q11.23	FOXC1	6p25.3	GDF3	12p13.31	IGF2	11p15.5
AHI1	6q23.3	CHD7	8q12.2	EMX1	2p13.2	FOXC2	16q24.1	GDF5	20q11.22	IGF2R	6q25.3
ALX3	1p13.3	CHD8	14q11.2	EMX2	10q26.11	FOXD1	5q13.2	GDF6	8q22.1	IHH	2q35
ALX4	11p11.2	CHD9	16q12.2	EN1	2q14.2	FOXD2	1p33	GDF7	2p24.1	ILTRAP1	Xp21.3
AMH	19p13.3	CHRD	3q27.1	EN2	7q36.3	FOXD3	1p31.3	GDF8	2q32.2	INHA	2q35
AMHR2	12q13.13	CIR	2q31.1	EXOSC1	10q24.1	FOXE1	9q22.33	GDF9	5q31.1	INHBA	7p14.1
ANGPT1	8q23.1	CLCNKA	1p36.13	EXT1	8q24.11	FOXE3	1p33	GDF10	10q11.22	INHBB	2q14.2
APC	5q22.2	CLCNKB	1p36.13	EXT2	11p11.2	FOXF1	16q24.1	GDF11	12q13.2	INHBC	12q13.3
APP	21q21.3	CLDN1	3q28	EYA1	8q13.3	FOXF2	6p25.3	GDF15	19p13.11	IRF6	1q32.2
ARSA	22q13.33	CLDN3	7q11.23	EYA2	20q13.12	FOXG1B	14q12	GH1	17q23.3	IRX1	5p15.33
ARX	Xp21.3	COL2A1	12q13.11	EYA3	1p35.3	FOXH1	8q24.3	GK	Xp21.2	IRX2	5p15.33
ATF2	2q31.1	CREBBP	16p13.3	EYA4	6q23.2	FOXI1	5q35.1	GLI1	12q13.3	IRX3	16q12.2
ATXN2	12q24.12	CTNNB1	3p22.1	FBN1	15q21.1	FOXI2	10q26.2	GLI2	2q14.2	IRX4	5p15.33
AXIN1	16p13.3	CXADR	21q21.1	FBXW4	10q24.32	FOXJ1	17q25.1	GLI3	7p14.1	IRX5	16q12.2
AXIN2	17q24.1	CYP21A2	6p21.32	FBXW11	5q35.1	FOXJ2	12p13.31	GLI4	8q24.3	IRX6	16q12.2
BAMBI	10p11.23	DACH1	13q21.33	FGF1	5q31.3	FOXJ3	1p34.2	GPR56	16q13	JAG1	20p12.2
BAPX1	4p15.33	DAND5	19p13.13	FGF2	4q27	FOXK1	7p22.1	GREM1	15q13.3	JAG2	14q32.33
BCR	22q11.23	DBX1	11p15.1	FGF3	11q13.3	FOXK2	17q25.3	GREM2	1q43	JARID2	6p23
BMP2	20p12.3	DBX2	12q12	FGF4	11q13.3	FOXL1	16q24.1	GRIP1	12q14.3	KAL1	Xp22.31
BMP3	4q21.21	DCN	12q21.33	FGF5	4q21.21	FOXL2	3q22.3	GSC	14q32.13	KCNJ1	11q24.3
BMP4	14q22.2	DCX	Xq22.3	FGF6	12p13.32	FOXM1	12p13.33	GSK3B	3q13.33	KIF7	15q26.1
BMP5	6p12.1	DDX3Y	Yq11.21	FGF7	15q21.1	FOXN1	17q11.2	HAND1	5q33.2	KLF1	19p13.13
BMP6	6p24.3	DHCR7	11q13.4	FGF8	10q24.32	FOXN2	2p16.3	HAND2	4q34.1	KLF2	19p13.11
BMP7	20q13.31	DHH	12q13.12	FGF9	13q12.11	FOXN3	14q31.3	HBA1	16p13.3	KLF3	4p14
BMP8A	1p34.2	DISP1	1q41	FGF10	5p12	FOXN4	12q24.11	HBA2	16p13.3	KLF4	9q31.2
BMP8B	1p34.2	DKK1	10q21.1	FGF11	17p13.1	FOXO1A	13q14.11	HCCS	Xp22.2	KLF5	13q22.1
BMP10	2p14	DLG1	3q29	FGF12	3q28	FOXO3A	6q21	HDAC1	1p35.1	KLF6	10p15.2
BMP15	Xp11.22	DLL1	6q27	FGF13	Xq26.3	FOXO4	Xq13.1	HDAC4	2q37.3	KLF7	2q33.3
BMPR1A	10q23.2	DLL3	19q13.2	FGF14	13q33.1	FOXP1	3p14.1	HES1	3q29	KLF8	Xp11.21
BMPR1B	4q22.3	DLL4	15q15.1	FGF17	8p21.3	FOXP2	7q31.1	HES2	1p36.31	KLF9	9q21.11
BMPR2	2q33.1	DLX1	2q31.1	FGF18	5q35.1	FOXP3	Xp11.23	HES3	1p36.31	KLF10	8q22.3
BSND	1p32.3	DLX2	2q31.1	FGF19	11q13.3	FOXP4	6p21.1	HES4	1p36.33	KLF11	2p25.1
BTK	Xq22.1	DLX3	17q21.33	FGF20	8p22	FOXQ1	6p25.3	HES5	1p36.32	KLF12	13q22.1
CALN1	7q11.22	DLX4	17q21.33	FGF21	19q13.33	FOXR1	11q23.3	HES6	2q37.3	KLF13	15q13.3
CASK	Xp11.4	DLX5	7q21.3	FGF22	19p13.3	FOXR2	Xp11.21	HES7	17p13.1	KLF14	7q32.2
CASR	3q21.1	DLX6	7q21.3	FGF23	12p13.32	FRZB	2q32.1	HEY1	8q21.13	KLF15	3q21.2
CCND2	12p13.32	DMBX1	1p33	FGFR1	8p12	FST	5q11.2	HEY2	6q22.31	KLF16	19p13.3
CDC2	10q21.2	DNASE1	16p13.3	FGFR2	10q26.13	FZD4	11q14.2	HHIP	4q31.22	KLF17	1p34.1
CDKL5	Xp22.13	DSCR3	21q22.13	FGFR3	4p16.3	FZD6	8q22.3	HIRA	22q11.21	KLHL4	Xq21.31
CEP290	12q21.32	DSCR4	21q22.13	FGFR4	5q35.3	GATA1	Xp11.23	HLXB9	7q36.3	KLHL8	4q22.1
CER1	9p22.3	DSCR5	21q22.13	FMR1	Xq27.3	GATA2	3q21.3	HOP	4q12	LEFTY1	1q42.12

GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND	GENE	BAND
LEFTY2	1q42.12	NROB1	Xp21.2	PLP1	Xq22.2	SMAD9	13q13.3	TGFBR1	9q22.33
LEMD3	12q14.3	NROB2	1p36.11	POU1F1	3p11.2	SMO	7q32.1	TGFBR2	3p24.1
LFNG	7p22.2	NR1D1	17q21.1	PSEN1	14q24.2	SNAI1	20q13.13	TGFBR3	1p22.1
LHX1	17q12	NR1D2	3p24.2	PSEN2	1q42.13	SNAI2	8q11.21	TGIF	18p11.31
LHX4	1q25.2	NR1vH2	19q13.33	PTCH1	9q22.32	SNRPN	15q11.2	THBS1	15q14
LMNB1	5q23.2	NR1H3	11p11.2	PTCH2	1p34.1	SOS1	2p22.1	TIMM8A	Xq22.1
LMX1B	9q33.3	NR1H4	12q23.1	PTEN	10q23.31	SOX1	13q34	TMEM1	21q22.3
LRP2	2q31.1	NR1I2	3q13.33	PTHLH	12p11.22	SOX2	3q26.33	TP53	17p13.1
LRP5	11q13.2	NR1I3	1q23.3	PTHR1	3p21.31	SOX3	Xq27.1	TP73L	3q28
LTBP1	2p22.3	NR2C1	12q22	PTPN11	12q24.13	SOX4	6p22.3	TRPS1	8q23.3
MADH4 (SMAD4)	18q21.2	NR2C2	3p24.3	RAI1	17p11.2	SOX5	12p12.1	TSC1	9q34.13
MAML1	5q35.3	NR2E1	6q21	RB1	13q14.2	SOX6	11p15.2	TSC2	16p13.3
MAML2	11q21	NR2E3	15q23	RBM19	12q24.13	SOX7	8p23.1	TWIST1	7p21.1
MAML3	4q31.1	NR2F1	5q15	RBPJ	4p15.2	SOX8	16p13.3	UBE3A	15q11.2
MAPT	17q21.31	NR2F2	15q26.2	RELN	7q22.1	SOX9	17q24.3	USP9Y	Yq11.21
MEF2A	15q26.3	NR3C1	5q31.3	RP2	Xp11.3	SOX10	22q13.1	VEGFA	6p21.1
MEF2B	19p13.11	NR3C2	4q31.23	RS1	Xp22.13	SOX11	2p25.2	VEGFB	11q13.1
MEF2C	5q14.3	NR4A1	12q13.13	RTN1	14q23.1	SOX12	20p13	VEGFC	4q34.3
MEF2D	1q22	NR4A2	2q24.1	RUNX1	21q22.12	SOX13	1q32.1	WHSC1	4p16.3
MESP2	15q26.1	NR4A3	9q31.1	RUNX2	6p12.3	SOX14	3q22.3	WHSC2	4p16.3
MID1	Xp22.2	NR5A1	9q33.3	RUNX3	1p36.11	SOX15	17p13.1	WNT1	12q13.12
MID2	Xq22.3	NR5A2	1q32.1	SALL1	16q12.1	SOX17	8q11.23	WNT2	7q31.2
MITF	3p14.1	NR6A1	9q33.3	SALL2	14q11.2	SOX21	13q32.1	WNT2B	1p13.2
MSX1	4p16.2	NSD1	5q35.3	SALL3	18q23	SOX30	5q33.3	WNT3	17q21.32
MSX2	5q35.2	NUDT6	4q28.1	SALL4	20q13.2	SRF	6p21.1	WNT3A	1q42.13
MTM1	Xq28	OCA2	15q13.1	SATB2	2q33.1	SRY	Yp11.31	WNT4	1p36.12
MYB	6q23.3	OCRL	Xq25	SCN1A	2q24.3	STK36	2q35	WNT5A	3p14.3
MYCN	2p24.3	OFD1	Xp22.2	SFRP1	8p11.21	STS	Xp22.31	WNT5B	12p13.33
MYF5	12q21.31	OPHN1	Xq12	SH2D1A	Xq25	SUFU	10q24.32	WNT6	2q35
MYF6	12q21.31	OTC	Xp11.4	SHANK3	22q13.33	TBX1	22q11.21	WNT7A	3p25.1
MYOD1	11p15.1	OTP	5q14.1	SHFM1	7q21.3	TBX2	17q23.2	WNT7B	22q13.31
MYOG	1q32.1	OTX1	2p15	SHH	7q36.3	TBX3	12q24.21	WNT8A	5q31.2
NBL1	1p36.13	OTX2	14q23.1	SHOX	Xp22.33, Yp11.32	TBX4	17q23.2	WNT8B	10q24.31
NCSTN	1q23.2	PAFAH1B1 (LIS1)	17p13.3	SHOX2	3q25.32	TBX5	12q24.21	WNT9A	1q42.13
NDP	Xp11.3	PAK2	3q29	SIM1	6q16.3	TBX6	16p11.2	WNT9B	17q21.32
NF1	17q11.2	PAK3	Xq22.3	SIM2	21q22.13	TBX10	11q13.2	WNT10A	2q35
NF2	22q12.2	PAX1	20p11.22	SIX1	14q23.1	TBX15	1p12	WNT10B	12q13.12
NFIA	1p31.3	PAX2	10q24.31	SIX3	2p21	TBX18	6q14.3	WNT11	11q13.5
NIPBL	5p13.2	PAX3	2q36.1	SIX4	14q23.1	TBX19	1q24.2	WNT16	7q31.31
NKX2-2	20p11.22	PAX4	7q32.1	SIX5	19q13.32	TBX20	7p14.3	WT1	11p13
NKX2-5	5q35.2	PAX5	9p13.2	SIX6	14q23.1	TBX21	17q21.32	XIST	Xq13.2
NKX6-1	4q21.23	PAX6	11p13	SLC12A1	15q21.1	TBX22	Xq21.1	ZFHx1B	2q22.3
NODAL	10q22.1	PAX7	1p36.13	SLC12A3	16q13	TCF2	17q12	ZFYVE9	1p32.3
NOG	17q22	PAX8	2q13	SMAD1	4q31.22	TCF4	18q21.2	ZIC1	3q24
NOTCH1	9q34.3	PAX9	14q13.3	SMAD2	18q21.1	TCF7L2	10q25.2	ZIC2	13q32.3
NOTCH2	1p12	PITX1	5q31.1	SMAD3	15q22.33	TDGF1	3p21.31	ZIC3	Xq26.3
NOTCH3	19p13.12	PITX2	4q25	SMAD5	5q31.2	TGFB1	19q13.2	ZIC4	3q24
NOTCH4	6p21.32	PITX3	10q24.32	SMAD6	15q22.31	TGFB2	1q41	ZIC5	13q32.3
NPHP1	2q13	PKD1	16p13.3	SMAD7	18q21.1	TGFB3	14q24.3	ZNF674	Xp11.3

Based on UCSC Genome Browser, March 2006 Assembly (hg18)

© Copyright 2008 Signature Genomic Laboratories, LLC